

Position disponible a l'Institut de Biologie et Chimie des Protéines

Bioinformatique et Grid Computing
- Analyse de Protéines sur la grille EGEE -

Vous êtes diplômé(e) d'une école d'ingénieurs ou avez soutenu avec succès votre thèse de doctorat dans les domaines de la Bioinformatique ou de l'Informatique. Vous avez envie de mettre en oeuvre vos compétences dans un domaine d'actualité en Bioinformatique et en Informatique. Venez travailler avec nous dans les domaines de la Génomique et de la Grille Informatique.

Le projet Européen EGEE (Enabling Grids for E-science in Europe, <http://www.eu-egee.org>) propose de développer une infrastructure de grille informatique de production adaptée à différents domaines applicatifs. Dans la continuité du projet European DataGrid, deux domaines applicatifs ont été identifiés avec un intérêt fort pour leur déploiement sur l'infrastructure de grille EGEE: la physique des hautes énergies et les applications biomédicales (dont la Bioinformatique, avec par exemple l'analyse de séquences de protéines). Cette proposition de poste s'inscrit dans l'activité "Applications Biomédicales" et concerne plus précisément l'adaptation et le développement d'applications bioinformatiques dans le contexte de la grille EGEE.

Missions:

=====

Le candidat devra assurer l'interface entre les développeurs du middleware et les développeurs des projets bioinformatiques européens partenaires du projet EGEE. Il devra expérimenter et comprendre le fonctionnement du middleware déployé pour aider au développement et au portage des applications bioinformatiques sur cette infrastructure. Il sera l'interlocuteur technique privilégié pour assurer le dialogue entre la communauté informatique du projet EGEE et la communauté bioinformatique. Le candidat travaillera sur la mise en place de ressources bioinformatiques sur la grille EGEE et sur leur accessibilité par les utilisateurs. Il réalisera, par exemple, l'adaptation d'applications d'analyse de séquences de protéine dans le contexte de la grille EGEE telles que: recherche de similitude et homologie, recherche de sites et signatures fonctionnelles de protéines, alignement multiple, etc.

Compétences requises:

=====

Connaissances du domaine de la Bioinformatique Moléculaire.

Connaissances dans le domaine des grilles de calcul, des systèmes distribués, du parallélisme, du système Linux.

Langages: C, C++, python, shells.

Anglais: lu, parlé, écrit.

Statut:

=====

Vous serez recruté sur un contrat de CDD du CNRS, ouvert dès maintenant, pour une durée à concurrence du 31 mars 2006. Votre rémunération sera fonction de vos qualifications et expériences suivant les grilles de salaire en vigueur au CNRS. Ce poste comporte des déplacements courts mais fréquents (mensuels), principalement au CERN (Genève) et en Europe.

Contact:

=====

Christophe Blanchet

Christophe.Blanchet@ibcp.fr

tél: 04 72 72 26 71

<http://pbil.ibcp.fr/~blanchet>

Pôle BioInformatique de Lyon – PBIL

IBCP – CNRS UMR 5086

7,passage du Vercors

69367 Lyon

